

Table S1

OTU_ID	cluster	Consensus Lineage	Phylum	Class	Order	Family	Genus	species	indicator value	<i>p</i>
X510	High	<i>Bacteria</i>	<i>Bacteroidetes</i>	<i>Bacteroidia</i>	<i>Bacteroidales</i>	<i>Porphyromonadaceae</i>	<i>Dysgonomonas</i>		0.495	0.010
X9	High	<i>Bacteria</i>	<i>Firmicutes</i>	<i>Clostridia</i>	<i>Clostridiales</i>				0.832	0.020
X31	High	<i>Bacteria</i>	<i>Firmicutes</i>	<i>Clostridia</i>	<i>Clostridiales</i>	<i>Clostridiaceae</i>			0.784	0.010
X924	High	<i>Bacteria</i>	<i>Firmicutes</i>	<i>Clostridia</i>	<i>Clostridiales</i>	<i>Clostridiaceae</i>	<i>Clostridium</i>		0.697	0.000
X94	High	<i>Bacteria</i>	<i>Firmicutes</i>	<i>Clostridia</i>	<i>Clostridiales</i>	<i>Clostridiaceae</i>	<i>Clostridium</i>		0.673	0.000
X1277	High	<i>Bacteria</i>	<i>Firmicutes</i>	<i>Clostridia</i>	<i>Clostridiales</i>	<i>Clostridiaceae</i>	<i>Clostridium</i>		0.509	0.020
X1008	High	<i>Bacteria</i>	<i>Firmicutes</i>	<i>Clostridia</i>	<i>Clostridiales</i>	<i>Clostridiaceae</i>	<i>Clostridium</i>	<i>intestinale</i>	0.494	0.010
X1119	High	<i>Bacteria</i>	<i>Firmicutes</i>	<i>Clostridia</i>	<i>Clostridiales</i>	<i>Clostridiaceae</i>	<i>Clostridium</i>		0.494	0.020
X1109	High	<i>Bacteria</i>	<i>Firmicutes</i>	<i>Clostridia</i>	<i>Clostridiales</i>	<i>Clostridiaceae</i>			0.409	0.020
X170	Low	<i>Bacteria</i>	<i>Proteobacteria</i>	<i>Betaproteobacteria</i>	<i>Burkholderiales</i>	<i>Comamonadaceae</i>	<i>Variovorax</i>	<i>paradoxus</i>	0.480	0.010
X72	Low	<i>Bacteria</i>							0.447	0.030
X125	Low	<i>Bacteria</i>							0.427	0.010
X107	Low	<i>Bacteria</i>							0.405	0.010