

MGAS29482 sof 1 TTGACAAATTTAAGTATAAACTTAGAAAAGTTATCTGTAGGGCTCGTCTCCGTGCGAACGATGCTGATAGCCCGACAGTTTTAGGACAGGAGGTTAGTG 100
MGAS28016 sof 1 TTGACAAATTTAAGTATAAACTTAGAAAAGTTATCTGTAGGGCTCGTCTCCGTGCGAACGATGCTGATAGCCCGACAGTTTTAGGACAGGAGGTTAGTG 100
MGAS12247 sof 1 TTGACAAATTTAAGTATAAACTTAGAAAAGTTATCTGTAGGGCTCGTCTCCGTGCGAACGATGCTGATAGCCCGACAGTTTTAGGACAGGAGGTTAGTG 100

MGAS29482 sof 101 CTAGTAGTAGTACGGAGAGCAGTACCACACAGCTAATACTGGTACCGGTACGGCAAGTGGGATGACTGCCACTACTCC TAGTGCTACGACAGATACTGG 200
MGAS28016 sof 101 CTAGTAGTAGTACGGAGAGCAGTACCACACAGCTAATACTGGTACCGGTACGGCAAGTGGGATGACTGCCACTACTCC TAGTGCTACGACAGATACTGG 200
MGAS12247 sof 101 CTAGTAGTAGTACGGAGAGCAGTACCACACAGCTAATACTGGTACCGGTACGGCAAGTGGGATGACTGCCACTACTCC TAGTGCTACGACAGATACTGG 200

MGAS29482 sof 201 TGAAGCAGCTGGGAGCGGAGCTAGGAGTGAAGCTAATGGTGCATCTCCGTAGTATCTAGC - GAAGAAAGTCAGAGTTCAGGCACTACTCCAGCCTCACC 299
MGAS28016 sof 201 TGAAGCAGCTGGGAGCGGAGCTAGGAGTGAAGCTAATGGTGCATCTCCGTAGTATCTAGC GAAGAAAGTCAGAGTTCAGGCACTACTCCAGCCTCACC 300
MGAS12247 sof 201 TGAAGCAGCTGGGAGCGGAGCTAGGAGTGAAGCTAATGGTGCATCTCCGTAGTATCTAGC - GAAGAAAGTCAGAGTTCAGGCACTACTCCAGCCTCACC 299

MGAS29482 sof 300 CCAAGCACAGACAGCTCCAGCAGCAACGCTCAACATCATCGGCTTCTTCTAGTAAATGAGAAAACCTCCAAAGACAGCAACTACAACATCATCGACTCCA 399
MGAS28016 sof 301 CCAAGCACAGACAGCTCCAGCAGCAACGCTCAACATCATCGGCTTCTTCTAGTAAATGAGAAAACCTCCAAAGACAGCAACTACAACATCATCGACTCCA 400
MGAS12247 sof 300 CCAAGCACAGACAGCTCCAGCAGCAACGCTCAACATCATCGGCTTCTTCTAGTAAATGAGAAAACCTCCAAAGACAGCAACTACAACATCATCGACTCCA 399

MGAS29482 sof 400 GTAGCAAGTACCAGTAATAATAGCAACAAGTAACCTAGTACTGAAGCTGAAACACAGACGATGGACGTTGGAACGGTATACAGTTGATAAGGAAAAATCAA 499
MGAS28016 sof 401 GTAGCAAGTACCAGTAATAATAGCAACAAGTAACCTAGTACTGAAGCTGAAACACAGACGATGGACGTTGGAACGGTATACAGTTGATAAGGAAAAATCAA 500
MGAS12247 sof 400 GTAGCAAGTACCAGTAATAATAGCAACAAGTAACCTAGTACTGAAGCTGAAACACAGACGATGGACGTTGGAACGGTATACAGTTGATAAGGAAAAATCAA 500

MGAS29482 sof 500 AGCTAAATATTAAGACGGTAAAGACTCCAAAAACTAGGAGTAGTGTTAATAAAGACACAAAACTTATAGAAACCCGGATGACAAAACAGCGTGATATCGT 599
MGAS28016 sof 501 AGCTAAATATTAAGACGGTAAAGACTCCAAAAACTAGGAGTAGTGTTAATAAAGACACAAAACTTATAGAAACCCGGATGACAAAACAGCGTGATATCGT 600
MGAS12247 sof 500 AGCTAAATATTAAGACGGTAAAGACTCCAAAAACTAGGAGTAGTGTTAATAAAGACACAAAACTTATAGAAACCCGGATGACAAAACAGCGTGATATCGT 599

MGAS29482 sof 600 TGATGTTACTCGGACAGTTAAACTAACGAAGTGGCACTATTGATGTTACCGTAAACGGTTAAACCGAAGCAAATTGACGAAGGCGCCGATGTTATGGCC 699
MGAS28016 sof 601 TGATGTTACTCGGACAGTTAAACTAACGAAGTGGCACTATTGATGTTACCGTAAACGGTTAAACCGAAGCAAATTGACGAAGGCGCCGATGTTATGGCC 700
MGAS12247 sof 600 TGATGTTACTCGGACAGTTAAACTAACGAAGTGGCACTATTGATGTTACCGTAAACGGTTAAACCGAAGCAAATTGACGAAGGCGCCGATGTTATGGCC 699

MGAS29482 sof 700 CTTCTAGATGCTCTCAAAGATGACAAAAGAGAATTTTGATAAGGCTAAAGAACAAATAAAAAAATGGTTACGACTTTAACAGGCGAGCCAACTGATG 799
MGAS28016 sof 701 CTTCTAGATGCTCTCAAAGATGACAAAAGAGAATTTTGATAAGGCTAAAGAACAAATAAAAAAATGGTTACGACTTTAACAGGCGAGCCAACTGATG 800
MGAS12247 sof 700 CTTCTAGATGCTCTCAAAGATGACAAAAGAGAATTTTGATAAGGCTAAAGAACAAATAAAAAAATGGTTACGACTTTAACAGGCGAGCCAACTGATG 799

MGAS29482 sof 800 GTAAGGAAAATCATAATAGGCGTAATCTGTACGCTAATGACTTTTTACCGTAAAGTTAATGAGCCTATCGAATTGACTGCTGAAAATGATAGCAAAAAC 899
MGAS28016 sof 801 GTAAGGAAAATCATAATAGGCGTAATCTGTACGCTAATGACTTTTTACCGTAAAGTTAATGAGCCTATCGAATTGACTGCTGAAAATGATAGCAAAAAC 900
MGAS12247 sof 800 GTAAGGAAAATCATAATAGGCGTAATCTGTACGCTAATGACTTTTTACCGTAAAGTTAATGAGCCTATCGAATTGACTGCTGAAAATGATAGCAAAAAC 899

MGAS29482 sof 900 ATTAGATGAAGTTGGAAAAAGCTAAAGAAAGATTGGGACTGGGGCGTTGACTTACAGGAGCTATCCATAAAGCTCGAGAGATTTTTAATAAGGAAAAA 999
MGAS28016 sof 901 ATTAGATGAAGTTGGAAAAAGCTAAAGAAAGATTGGGACTGGGGCGTTGACTTACAGGAGCTATCCATAAAGCTCGAGAGATTTTTAATAAGGAAAAA 1000
MGAS12247 sof 900 ATTAGATGAAGTTGGAAAAAGCTAAAGAAAGATTGGGACTGGGGCGTTGACTTACAGGAGCTATCCATAAAGCTCGAGAGATTTTTAATAAGGAAAAA 999

MGAS29482 sof 1000 GAAAAAAATCGGGTAAACGCCAGCATATCGTCTTGTCTCTCAAGGCGAATCAACCTTTAGTTATGATATTAATAAATAAAGTGATATTACAAAAACAA 1099
MGAS28016 sof 1001 GAAAAAAATCGGGTAAACGCCAGCATATCGTCTTGTCTCTCAAGGCGAATCAACCTTTAGTTATGATATTAATAAATAAAGTGATATTACAAAAACAA 1100
MGAS12247 sof 1000 GAAAAAAATCGGGTAAACGCCAGCATATCGTCTTGTCTCTCAAGGCGAATCAACCTTTAGTTATGATATTAATAAATAAAGTGATATTACAAAAACAA 1098

MGAS29482 sof 1100 AAATAACTGAAAAGTTACGACCTTAGCCCACTGTTCCCTGGCTCCCTATCTTTAATCACACTAACCGAAAGGAGAGATTTAGTGATTTAGAAAA 1199
MGAS28016 sof 1101 AAATAACTGAAAAGTTACGACCTTAGCCCACTGTTCCCTGGCTCCCTATCTTTAATCACACTAACCGAAAGGAGAGATTTAGTGATTTAGAAAA 1200
MGAS12247 sof 1099 AAATAACTGAAAAGTTACGACCTTAGCCCACTGTTCCCTGGCTCCCTATCTTTAATCACACTAACCGAAAGGAGAGATTTAGTGATTTAGAAAA 1199

MGAS29482 sof 1200 AGTACTAGACATGGCCGAAAAAGTGGGAATAAGTTACCTAGTAGTCTGAAGTCAGCAGTGAAGGCCCTTGGCTTAACATAAGTGAATAGGTTCTATT 1299
MGAS28016 sof 1201 AGTACTAGACATGGCCGAAAAAGTGGGAATAAGTTACCTAGTAGTCTGAAGTCAGCAGTGAAGGCCCTTGGCTTAACATAAGTGAATAGGTTCTATT 1300
MGAS12247 sof 1199 AGTACTAGACATGGCCGAAAAAGTGGGAATAAGTTACCTAGTAGTCTGAAGTCAGCAGTGAAGGCCCTTGGCTTAACATAAGTGAATAGGTTCTATT 1298

MGAS29482 sof 1300 TTAGGGAAAAGGTTTGACAGAGTACCTTGGTTTGACAGAATATAGTTCAGATAACTTAGATGGAGGAGGTTGATTATAGTAAACGTGAGGGAAAAGGTT 1399
MGAS28016 sof 1301 TTAGGGAAAAGGTTTGACAGAGTACCTTGGTTTGACAGAATATAGTTCAGATAACTTAGATGGAGGAGGTTGATTATAGTAAACGTGAGGGAAAAGGTT 1400
MGAS12247 sof 1299 TTAGGGAAAAGGTTTGACAGAGTACCTTGGTTTGACAGAATATAGTTCAGATAACTTAGATGGAGGAGGTTGATTATAGTAAACGTGAGGGAAAAGGTT 1398

MGAS29482 sof 1400 ACTACTACCACAGTTTTTTCAGATAGGAAATATGAAAATACAATGCCCTTGAAGAAGCTATCAGGACGGCCTTAGCATCTAATTTTCCAAACTCACAGA 1499
MGAS28016 sof 1401 ACTACTACCACAGTTTTTTCAGATAGGAAATATGAAAATACAATGCCCTTGAAGAAGCTATCAGGACGGCCTTAGCATCTAATTTTCCAAACTCACAGA 1500
MGAS12247 sof 1399 ACTACTACCACAGTTTTTTCAGATAGGAAATATGAAAATACAATGCCCTTGAAGAAGCTATCAGGACGGCCTTAGCATCTAATTTTCCAAACTCACAGA 1498

MGAS29482 sof 1500 TAATTTGGTTTTTTCGATATCTAAATAGTTTTTGTCAATAAAGATACAGTTGAGAAAAGCTAAATAGACGTAATTTAGAAAGTACTTAATAGTATTTTTTAC 1599
MGAS28016 sof 1501 TAATTTGGTTTTTTCGATATCTAAATAGTTTTTGTCAATAAAGATACAGTTGAGAAAAGCTAAATAGACGTAATTTAGAAAGTACTTAATAGTATTTTTTAC 1600
MGAS12247 sof 1499 TAATTTGGTTTTTTCGATATCTAAATAGTTTTTGTCAATAAAGATACAGTTGAGAAAAGCTAAATAGACGTAATTTAGAAAGTACTTAATAGTATTTTTTAC 1598

MGAS29482 sof 1600 AAACGTGAATATCGCTATTACAAACATAAAGTGTGACGAAATAGCCGAAAGTAAATGGCTCAACAAGAGGGCATTACCCTTCTATCCGTTGATGTTACTG 1699
MGAS28016 sof 1601 AAACGTGAATATCGCTATTACAAACATAAAGTGTGACGAAATAGCCGAAAGTAAATGGCTCAACAAGAGGGCATTACCCTTCTATCCGTTGATGTTACTG 1700
MGAS12247 sof 1599 AAACGTGAATATCGCTATTACAAACATAAAGTGTGACGAAATAGCCGAAAGTAAATGGCTCAACAAGAGGGCATTACCCTTCTATCCGTTGATGTTACTG 1698

MGAS29482 sof 1700 ATTTAAACTCAGCTTCTAAAGAGTGGGCGACAAGCAGCAGTGCCTAAGGCACTAAGGAAGAGAAAAACAAAAAATGAAGAAGAGCGTAAATACAAA 1799
MGAS28016 sof 1701 ATTTAAACTCAGCTTCTAAAGAGTGGGCGACAAGCAGCAGTGCCTAAGGCACTAAGGAAGAGAAAAACAAAAAATGAAGAAGAGCGTAAATACAAA 1800
MGAS12247 sof 1699 ATTTAAACTCAGCTTCTAAAGAGTGGGCGACAAGCAGCAGTGCCTAAGGCACTAAGGAAGAGAAAAACAAAAAATGAAGAAGAGCGTAAATACAAA 1798

MGAS29482 sof 1800 GTTTGACACCTATCTGAAAAGATGCTGAAGGTAATAATTTCTAAGTAATGTTGAAGAGAGAGATAAGTTCAAAGTACTTTAACAGAGCTGACAAAT 1899
MGAS28016 sof 1801 GTTTGACACCTATCTGAAAAGATGCTGAAGGTAATAATTTCTAAGTAATGTTGAAGAGAGAGATAAGTTCAAAGTACTTTAACAGAGCTGACAAAT 1900
MGAS12247 sof 1799 GTTTGACACCTATCTGAAAAGATGCTGAAGGTAATAATTTCTAAGTAATGTTGAAGAGAGAGATAAGTTCAAAGTACTTTAACAGAGCTGACAAAT 1898

MGAS29482 sof 1900 AAAGACGAAATTTACGGATAAAGTTACGGTGCAGAAAGGATTCCTGGAGTAATCTAATACTGATGGACTTAAAAATTCAAATAACAATAATGTTAAACATC 1999
MGAS28016 sof 1901 AAAGACGAAATTTACGGATAAAGTTACGGTGCAGAAAGGATTCCTGGAGTAATCTAATACTGATGGACTTAAAAATTCAAATAACAATAATGTTAAACATC 2000
MGAS12247 sof 1899 AAAGACGAAATTTACGGATAAAGTTACGGTGCAGAAAGGATTCCTGGAGTAATCTAATACTGATGGACTTAAAAATTCAAATAACAATAATGTTAAACATC 1998

MGAS29482 sof 2000 AACAGGCAAAACACATCGACATGGAGTTTCTTACGTCATCCAAAGAAAGCCTCACCTGGATTATTTCCAAAGAGCAGCTCAAGAAGCCTTTGAGAAAAA 2099
MGAS28016 sof 2001 AACAGGCAAAACACATCGACATGGAGTTTCTTACGTCATCCAAAGAAAGCCTCACCTGGATTATTTCCAAAGAGCAGCTCAAGAAGCCTTTGAGAAAAA 2100
MGAS12247 sof 1999 AACAGGCAAAACACATCGACATGGAGTTTCTTACGTCATCCAAAGAAAGCCTCACCTGGATTATTTCCAAAGAGCAGCTCAAGAAGCCTTTGAGAAAAA 2098

MGAS29482 sof 2100 TGGTTCCTCAGCTTTAAATACAAATACGGGTCAATAAAGACAAACTATTAGATAAAGATAAGAAGAGAACAAAACGTGATACACCTACGGAAAAAATAG 2199
MGAS28016 sof 2101 TGGTTCCTCAGCTTTAAATACAAATACGGGTCAATAAAGACAAACTATTAGATAAAGATAAGAAGAGAACAAAACGTGATACACCTACGGAAAAAATAG 2200
MGAS12247 sof 2099 TGGTTCCTCAGCTTTAAATACAAATACGGGTCAATAAAGACAAACTATTAGATAAAGATAAGAAGAGAACAAAACGTGATACACCTACGGAAAAAATAG 2198

MGAS29482 sof 2200 ACTTCTGTAACGGCAGATATCATTCAAATACGTTGACTACAAAAATTAATAATCAAGAAGTTAAGGGTAACAACTTGTGCTGTCAAGTTGACTTATA 2299
MGAS28016 sof 2201 ACTTCTGTAACGGCAGATATCATTCAAATACGTTGACTACAAAAATTAATAATCAAGAAGTTAAGGGTAACAACTTGTGCTGTCAAGTTGACTTATA 2300
MGAS12247 sof 2199 ACTTCTGTAACGGCAGATATCATTCAAATACGTTGACTACAAAAATTAATAATCAAGAAGTTAAGGGTAACAACTTGTGCTGTCAAGTTGACTTATA 2298

MGAS29482 sof 2300 CTAAGAGACCGTTCCTGTTCCAGATGTGGAAGGAGAAGTTGTACCAATACCAGAAAAACCCTGGTGAACCAATGACGCCCTATACCTGCAATTCC 2399
MGAS28016 sof 2301 CTAAGAGACCGTTCCTGTTCCAGATGTGGAAGGAGAAGTTGTACCAATACCAGAAAAACCCTGGTGAACCAATGACGCCCTATACCTGCAATTCC 2400
MGAS12247 sof 2299 CTAAGAGACCGTTCCTGTTCCAGATGTGGAAGGAGAAGTTGTACCAATACCAGAAAAACCCTGGTGAACCAATGACGCCCTATACCTGCAATTCC 2398

MGAS29482 sof 2400 TAATTACCTACCCCTCAACTTCCAAAAGATGAAGATCTGGAGATTAGTGGAGGTCATGGACCGATTGTCGATATCGTCGAAGATACTGGTACAGGTGTT 2499
MGAS28016 sof 2401 TAATTACCTACCCCTCAACTTCCAAAAGATGAAGATCTGGAGATTAGTGGAGGTCATGGACCGATTGTCGATATCGTCGAAGATACTGGTACAGGTGTT 2500
MGAS12247 sof 2399 TAATTACCTACCCCTCAACTTCCAAAAGATGAAGATCTGGAGATTAGTGGAGGTCATGGACCGATTGTCGATATCGTCGAAGATACTGGTACAGGTGTT 2498

MGAS29482 sof 2500 GAGGGCGGCGCTCAAAATGGTGTGGTTCAACTCAGGAAAAAAGATCCAATCGTTGACATCACCAGGATACCCAACCAAGTATGTCAGGCTCAAATG 2599
MGAS28016 sof 2501 GAGGGCGGCGCTCAAAATGGTGTGGTTCAACTCAGGAAAAAAGATCCAATCGTTGACATCACCAGGATACCCAACCAAGTATGTCAGGCTCAAATG 2600
MGAS12247 sof 2499 GAGGGCGGCGCTCAAAATGGTGTGGTTCAACTCAGGAAAAAAGATCCAATCGTTGACATCACCAGGATACCCAACCAAGTATGTCAGGCTCAAATG 2598

MGAS29482 sof 2600 ACGCGACAGTTGTGAGGAAGACACAGCACCTAAACGTCAGATGTCCTTGTGGTGGTCAAAGTATCCAATCGATATCACCAGGATACCCAACCAAG 2699
MGAS28016 sof 2601 ACGCGACAGTTGTGAGGAAGACACAGCACCTAAACGTCAGATGTCCTTGTGGTGGTCAAAGTATCCAATCGATATCACCAGGATACCCAACCAAG 2700
MGAS12247 sof 2599 ACGCGACAGTTGTGAGGAAGACACAGCACCTAAACGTCAGATGTCCTTGTGGTGGTCAAAGTATCCAATCGATATCACCAGGATACCCAACCAAG 2698

MGAS29482 sof 2700 TGTGTCAGGCTCAAATGACGCGACAGTTGTGAGGAAGACACAGTACCTAAACGTCAGATATCCTTGTGGCAGTCAAAGTATCCAATCGATATCACC 2799
MGAS28016 sof 2701 TGTGTCAGGCTCAAATGACGCGACAGTTGTGAGGAAGACACAGTACCTAAACGTCAGATATCCTTGTGGCAGTCAAAGTATCCAATCGATATCACC 2800
MGAS12247 sof 2699 TGTGTCAGGCTCAAATGACGCGACAGTTGTGAGGAAGACACAGTACCTAAACGTCAGATATCCTTGTGGCAGTCAAAGTATCCAATCGATATCACC 2798

MGAS29482 sof 2800 GAAGATACCCAACCAAGCATGTGAGTTCTAATGACGCTACTGTTATCGAAGAAGATACGAAACCAAAACGCTTCTCCACTTTGATAACGAGCCACAAG 2899
MGAS28016 sof 2801 GAAGATACCCAACCAAGCATGTGAGTTCTAATGACGCTACTGTTATCGAAGAAGATACGAAACCAAAACGCTTCTCCACTTTGATAACGAGCCACAAG 2900
MGAS12247 sof 2799 GAAGATACCCAACCAAGCATGTGAGTTCTAATGACGCTACTGTTATCGAAGAAGATACGAAACCAAAACGCTTCTCCACTTTGATAACGAGCCACAAG 2898

MGAS29482 sof 2900 CACCAGAAAAACCTAAAGAGCAACCATCTCTCAGCTTACCACAAGCTCCAGTCTATAAGGCAGCTCATCACTTGCCCTGCATCTGGAGACAAACGTGAAGC 2999
MGAS28016 sof 2901 CACCAGAAAAACCTAAAGAGCAACCATCTCTCAGCTTACCACAAGCTCCAGTCTATAAGGCAGCTCATCACTTGCCCTGCATCTGGAGACAAACGTGAAGC 3000
MGAS12247 sof 2899 CACCAGAAAAACCTAAAGAGCAACCATCTCTCAGCTTACCACAAGCTCCAGTCTATAAGGCAGCTCATCACTTGCCCTGCATCTGGAGACAAACGTGAAGC 2998

MGAS29482 sof 3000 ATCCTTTACAATTTGTTGCTCTAACAAATATTGGAGCTGCAGGTTTGTCTCAGCAAAAAACGTGCGACACCGAAGAAAACTAA 3081
MGAS28016 sof 3001 ATCCTTTACAATTTGTTGCTCTAACAAATATTGGAGCTGCAGGTTTGTCTCAGCAAAAAACGTGCGACACCGAAGAAAACTAA 3082
MGAS12247 sof 2999 ATCCTTTACAATTTGTTGCTCTAACAAATATTGGAGCTGCAGGTTTGTCTCAGCAAAAAACGTGCGACACCGAAGAAAACTAA 3080
